
**"ANÁLISIS DE LA DIVERSIDAD GENÉTICA DEL MAQUI (*Aristotelia chilensis*)
EN PLANTAS PROCEDENTES DE DISTINTAS LOCALIDADES EN CHILE"**

PAOLA DENIS SALGADO NORAMBUENA
INGENIERO AGRÓNOMO

RESUMEN

Aristotelia chilensis es una planta silvestre, dioica, que requiere obligadamente de polinización cruzada para producir sus frutos. Es una especie que se encuentra en procesos de domesticación y que posee un gran potencial económico dado los efectos antioxidantes y las propiedades medicinales de los constituyentes químicos que poseen sus frutos y hojas. En esta memoria se realizó un análisis de la variabilidad genética en muestras de *A. chilensis* provenientes de ocho localidades ubicadas entre la V y la X región de Chile. Se probaron 12 parejas de partidores universales en un total de 58 individuos para amplificar fragmentos de ADN genómico mediante la técnica de AFLP. Los pares *M63/E35* y *M74/E35* amplificaron positivamente y arrojaron un total de 259 fragmentos polimórficos. Se analizó también la variación de regiones microsatélites de ADN de cloroplasto, probándose 10 parejas de partidores de los cuales solo *ccmp5* y *ccmp6* arrojaron polimorfismos. Se detectaron dos haplotipos: el haplotipo 1 (119 pb-88 pb) y el haplotipo 2 (120 pb-87 pb). Ambos haplotipos se caracterizaron por estar presentes en el extremo norte de la zona central, en tanto que el haplotipo 2 se presentó sólo en localidades de la zona centro sur de Chile. El análisis de varianza molecular (AMOVA) mostró que el 95% de la variación genética total fue encontrada dentro de cada localidad, mientras que solo el 5 % de la variación correspondió a variación entre las localidades. Un análisis de aislamiento por distancia mostró una correlación positiva entre distancia genética y distancia geográfica. Un análisis de agrupamiento jerárquico arrojó un dendrograma UPGMA el cual no presentó formación de grupos genéticos. Finalmente, un análisis de agrupamiento bayesiano arrojó que *A. chilensis* conforma cuatro grupos genéticos. Este último análisis permite concluir que las muestras analizadas de *A. chilensis* provenientes de las ocho localidades analizadas, constituyen distintos grupos genéticos, donde cada individuo presenta fracciones de grupos genéticos en distinta proporción.

Palabras clave: AFLP, microsatélite de cloroplasto, partidores, haplotipo y grupos genéticos.

ABSTRACT

Aristotelia chilensis (Maqui) is a wild dioecious plant, which requires an obligated cross pollination to produce fruit. This specie is in the process to domestication and has a great economic potential due to its antioxidant and medicinal properties given by the chemical constituents in fruits and leaves. In this study the genetic variability of samples of *A. chilensis*, coming from eight localities between V and X region of Chile was analyzed.

Twelve pairs of universal primers were tested in a total of 58 individuals to amplify genomic DNA fragments using the AFLP technique. The *M63/E35* and *M74/E35* AFLP primer pairs amplified positively and displayed 259 polymorphic fragments. The variation in chloroplast microsatellite DNA region was evaluated using ten primer pairs, from which only *ccmp5* and *ccmp6* exhibited polymorphism. Two haplotypes were detected, haplotype 1 (119bp-88bp) and haplotype 2 (120bp-87bp). Both haplotypes were found in the northern end of the central zone, whereas haplotype 2 were only found in the south-central zone and south zone of Chile. Analysis of molecular variance showed that 95% of the total genetic variation was found within each locality, while only 5% of the variation was accounted by between locations. An analysis of isolation by distance showed a positive correlation between genetic distance and geographic distance. A genetic analysis of hierarchical clustering showed no information of genetic groups. Finally, a Bayesian clustering analysis showed that *A. chilensis* formed four genetic groups. This final analysis suggests that the samples studied conform distinct genetic groups, where each individual has fractions in different proportions.

Keywords: AFLP, chloroplast microsatellite, primers, haplotype and genetic groups.