



**“DETECCIÓN DE FACTORES DE VIRULENCIA (SUSTANCIA DE AGREGACIÓN, CITOLISINA Y *efaA*) EN *Enterococcus faecalis*, MEDIANTE PCR, EN MUESTRAS DE DISTINTO ORIGEN CLÍNICO.”**

**JOSÉ IGNACIO GUERRERO GONZÁLEZ  
LICENCIADO EN TECNOLOGÍA MÉDICA**

**RESUMEN**

Estudios epidemiológicos han reconocido la importancia de *Enterococcus faecalis* como causante graves infecciones, y hasta la fecha, nuestra comprensión de como ciertos factores de la virulencia están implicados en la patogenia de las infecciones enterocócicas aún es limitado. El objetivo del presente estudio fue examinar la prevalencia de los determinantes reconocidos de virulencia en un grupo de cepas de *E. faecalis* aisladas de diversas fuentes clínicas en Talca, Chile. Un total de 65 cepas de *E. faecalis* fueron investigadas para la presencia de tres genes de virulencia incluyendo *aggA*, *cylA* y *efaA* usando PCR. Los datos demostraron una distribución relativamente amplia de los genes de virulencia entre las cepas investigadas. Las cepas clínicas llevaron por lo menos uno de los tres marcadores de virulencia (86.2%), siendo este el patrón más común. La mayoría de las cepas eran portadoras del gen *aagA* (60.0%), seguidas del gen *cylA* (32.3%) e inesperadamente menor a lo esperado fue la prevalencia del gen *efaA* (27.7%). La presencia simultánea de los tres marcadores de virulencia fue observada en una baja ocurrencia (7.7%) y se observó principalmente en cepas aisladas de infección del tracto urinario, las cuales son las que presentan el mayor número de factores de virulencia estudiados.