

RESUMEN

Chile es uno de los principales exportadores de uva de mesa del hemisferio sur, con alrededor de 170.726 hectáreas destinadas a su cultivo, de las cuales 108.569 há están destinadas a la vinificación, 52.366 há para el consumo fresco y 9.791 há para la producción de pisco. Las mayores plantaciones se localizan principalmente en la Región del Maule, seguida de la Región del Libertador Bernardo O'higgins y Región Metropolitana.

La cepa que mayor cantidad de hectáreas ocupa a nivel nacional es *Cabernet sauvignon*, con un total de 39.261 há, ubicadas mayoritariamente en la Región del Maule y Región del Libertador Bernardo O'higgins.

En el mercado internacional nuestro país debe competir con países tales como Australia y Sudáfrica, los cuales han iniciado programas de desarrollo científico-tecnológico para posicionarse mejor en los mercados. Es por ello, que en nuestro país, universidades, entidades investigadoras y el sector privado han reunido esfuerzos para la confección de programas de estudio que contribuyan al desarrollo de la industria frutícola nacional.

La aparición en ciertas viñas, de racimos más grandes de lo común, de especies de *Cabernet sauvignon*, resulta de especial interés ya que la selección de dichos fenotipos aumentarían la producción económica de quienes la comercializan. Es por ello que desde hace algunos años atrás, el estudio de especies de *Cabernet sauvignon* ha venido arrojando resultados que indicarían posibles mutaciones a nivel de ADN, responsables de la aparición de éste fenotipo.

Utilizando una metodología no muy compleja, de extracción de ADN, se logró extraer el material genético de ambos fenotipos en estudio, Racimo Largo y Racimo Corto, y luego de estandarizar la metodología de la Reacción en Cadena de la Polimerasa (PCR), se procedió a realizarla utilizando partidores ya estudiados en la amplificación de un retrotransposon presente en *Lycopersicon chilense*, el cual le daría ciertas características a ésta especie.

Nuestro trabajo apunta a la búsqueda de éste retroelemento en especies de *Cabernet sauvignon*. De un total de 7 combinaciones de partidores analizadas, tres de ellas lograron amplificar ciertas regiones de éste retrotransposon, principalmente presente en el fenotipo Racimo Largo, por lo que se desprendería que éste elemento genético móvil, podría ser responsable de la aparición de éste nuevo fenotipo. Sin embargo, para obtener información más detallada y certera de lo aquí planteado, la clonación sería el paso a seguir para conocer la secuencia del retroelemento y construir sondas específicas que permitan verificar esta hipótesis.