Tabla	Título	Página
Tabla 1	ESTs provenientes de librería de expresión diferencial de bayas de vid cv. Carménère con o sin semilla	15
Tabla 2	Partidores cebadores para las reacciones de PCR utilizadas en el desarrollo del trabajo de tesis	19
Tabla 3	Comparación entre CS841944 y tipo silvestre de plantas de <i>A. thaliana</i> crecidas bajo condición de día largo	54
Tabla 4	Localización subcelular de acuerdo a predicciones <i>in silico</i> con SherLoc, CELLO y Wolf PSORT-II	58
Tabla 5	Elementos de respuesta a azúcar (SRE) reconocidos por PLACE	72
Tabla 6	Elementos de expresión específica en los tejidos de la semilla reconocidos por PLACE	73

Figura	Título	Página
Figura 1	Gen <i>VvPSZ3</i> aislado desde <i>Vitis vinifera</i>	30
Figura 2	Representación esquemática de los dominios proteínicos con motivos y sitios funcionales de VvPSZ3 y ZAT4 y ZAT9 de <i>A.</i> thaliana	31
Figura 3	Comparación de la secuencia aminoacídica de <i>VvPSZ3</i> con sus putativos homólogos de otras especies de plantas	32
Figura 4	Relaciones filogenéticas entre VvPSZ3 y proteínas similares encontradas en otras especies de plantas	34
Figura 5	Localización celular de VvPSZ3:sGFP y ZAT4:sGFP en planta	35
Figura 6	Análisis de expresión de <i>VvPSZ3</i> en varios órganos de <i>Vitis vinifera</i> cv. Carménère por qPCR	37
Figura 7	Comparación de los patrones de expresión de <i>VvPSZ3</i> en dos cultivares tradicionales de <i>Vitis vinifera</i>	38
Figura 8	Comparación de los niveles de expresión de <i>VvPSZ3</i> entre bayas de Carménère normales y sin semilla	41
Figura 9	Expresión de <i>VvPSZ3</i> en bayas tratadas con distintas moléculas elicitoras	42
Figura 10	Expresiones de <i>AtZAT4</i> y <i>AtZAT9</i> predichas con la herramienta Arabidopsis eFP Browser con datos provenientes de microarreglos	43
Figura 11	Análisis mediante qPCR de la expresión de <i>AtZAT4</i> y <i>AtZAT9</i> en diversos órganos de <i>A. thaliana</i>	44
Figura 12	Elementos en cis en la región "río arriba" de <i>VvPSZ3, AtZAT4</i> y <i>PhZPT3-3</i>	47
Figura 13	Elementos específicos de expresión en polen de <i>VvPSZ3, AtZAT4</i> y <i>PhZPT3-3</i>	48

Figura 14	Alinemiento de la secuencia nucleotídica de la región promotora de <i>VvPSZ3</i> y sus homólogos en <i>P. hybrida</i> y <i>A. thaliana</i>	49
Figura 15	Representación esquemática proporcional de la inserción de ADN-T dentro del genoma de <i>A. thaliana</i> y dentro de la secuencia promotora de <i>ZAT4</i>	51
Figura 16	Productos de PCR para el promotor de ZAT4 y el inserto del ADN- T dentro del promotor	52
Figura 17	Análisis por qPCR de la expresión de <i>AtZAT4</i> en diversos órganos de <i>A. thaliana,</i> tanto sobre el tipo silvestre como en plantas <i>zat4</i>	53
Figura 18	Genes VvFSK y VvFTK aislados desde Vitis vinifera	56
Figura 19	Representación esquemática de los dominios protéicos con motivos y sitios funcionales de VvFSK, VvFTK y ScORK de <i>Solanum</i> <i>chacoense</i>	59
Figura 20	Comparación de la secuencia aminoacídica de VvFSK con VvFTK, ScORK17 y At3g03770	60
Figura 21	Relaciones filogenéticas entre VvFSK y proteínas similares encontradas en otras especies de plantas	61
Figura 22	Análisis de expresión de <i>VvFSK</i> y <i>VvFTK</i> en distintos órganos de <i>Vitis vinifera</i> cv. Carménère por qPCR	64
Figura 23	Comparación de los niveles de expresión de <i>VvFSK</i> Y <i>VvFTK</i> en diversos tejidos reproductivos de <i>Vitis vinifera</i> cv. Carménère	65
Figura 24	Expresión de <i>VvFSK</i> y <i>VvFTK</i> en bayas tratadas con distintas moléculas elicitoras	66
Figura 25	Elementos en <i>Cis</i> de respuesta a azúcar y de especificidad de semilla en la región 2000 pb "río arriba" de <i>VvFSK, VvFTK</i> y <i>At3g03770</i>	67
Figura 26	Expresión de <i>VvFSK</i> (negro) y <i>VvFTK</i> (gris) en bayas tratadas con distintas moléculas elicitoras.	69

Figura 27 Elementos en Cis de respuesta a azúcar (A) y de especificidad de semilla (s) en la región 2000 pb "río arriba" de VvFSK, VvFTK y At3g03770.