

ÍNDICE

| | |
|---|-----------|
| 1. RESUMEN..... | 5 |
| 2. INTRODUCCIÓN..... | 6 |
| 3. HIPÓTESIS..... | 8 |
| 4. OBJETIVOS..... | 9 |
| 4.1 Objetivo General..... | 9 |
| 4.2 Objetivos Específicos..... | 9 |
| 5. REVISIÓN BIBLIOGRÁFICA..... | 10 |
| 5.1 Vectores adenoasociados recombinantes (VAAr) | 10 |
| 5.1.1 Biología de los VAAr | 13 |
| 5.2 Estrategias para el uso eficiente de vectores VAAr..... | 13 |
| 5.2.1 Activación de cassetes de expresión mediado por Cre recombinasa..... | 14 |
| 5.2.2 Estrategias para la expresión bicistrónica en eucariontes..... | 16 |
| 5.3 Secuencias CHYSEL/2A..... | 16 |
| 5.3.1 Péptido P2A..... | 19 |
| 5.4 Herramientas genéticas moleculares usadas en el estudio del Sistema Nervioso Central..... | 21 |
| 5.4.1 Proteínas Fluorescentes..... | 22 |
| 5.4.2 GECI..... | 23 |
| 6. MATERIALES Y MÉTODOS..... | 25 |
| 6.1 Soluciones Stock..... | 25 |
| 6.2 Construcción de la secuencia TdTomato-P2A-GCaMP6..... | 25 |
| 6.2.1 Plásmidos usados durante esta tesis..... | 27 |
| 6.2.2 Amplificación de ADN por PCR..... | 29 |
| 6.2.3 Electroforesis de ADN geles analíticos..... | 31 |
| 6.2.4 Cuantificación de ADN..... | 31 |
| 6.2.5 Electroforesis de ADN de geles preparativos..... | 32 |
| 6.2.6 Purificación de ADN desde gel de agarosa..... | 32 |

| | | |
|------------|--|-----------|
| 6.2.7 | SOEing..... | 33 |
| 6.2.8 | Digestión analítica..... | 34 |
| 6.2.9 | Precipitación de ADN..... | 34 |
| 6.3 | Transformación bacteriana..... | 35 |
| 6.4 | Purificación de plásmidos..... | 35 |
| 7. | RESULTADOS..... | 37 |
| 7.1 | Estandarización de carga de ladders 1kb y Lambda DNA/HindIII Marker en gel de agarosa pre-teñido con GelRed™ 0,125X..... | 37 |
| 7.2 | Construcción de Secuencia TdTomato-P2A-GCaMP6 | 37 |
| 7.2.1 | Cuantificación de plásmidos cDNA3.1-6his-TdTomato, pCAG-GCaMP6f, pCAG-GCaMP6s..... | 43 |
| 7.2.2 | Gel de agarosa analítico de la PCR realizada para obtener fragmentos TdTomato-P2A, P2A-GCaMP6f y P2A GCaMP6s usando la enzima <i>GoTaq® G2 Flexi DNA Polymerase</i> | 37 |
| 7.2.3 | Gel de agarosa analítico de la PCR realizada para obtener fragmentos TdTomato-P2A, P2A-GCaMP6f y P2A-GCaMP6s, usando la enzima <i>Proofreading, Herculase II fusion DNA polymerase</i> | 46 |
| 7.2.4 | Cuantificación de fragmentos TdTomato-P2A, P2A-GCaMP6f y P2A GCaMP6s purificado desde gel de agarosa mediante análisis densitométrico..... | 49 |
| 7.2.5 | Cuantificación del producto PCR SOEing, para generar la secuencia TdTomato-P2A-GCaMP6s y TdTomato-P2A-GCaMP6f, mediante análisis densitométrico..... | 52 |
| 7.3 | Ensayo de restricción con EcoRI y KpnI, para la secuencia TdTomato-P2A-GCaMP6s y TdTomato-P2A-GCaMP6f..... | 55 |
| 8. | DISCUSIÓN..... | 58 |
| 9. | CONCLUSIÓN..... | 61 |
| 10. | PERSPECTIVAS..... | 62 |
| 11. | BIBLIOGRAFÍA..... | 63 |

ÍNDICE DE TABLAS Y FIGURAS

| | |
|-----------------------|-------|
| Figura 1..... | 11-12 |
| Figura 2..... | 15 |
| Figura 3..... | 18 |
| Figura 4..... | 19-20 |
| Figura 5..... | 24 |
| Figura 6..... | 26 |
| Tabla 1..... | 30 |
| Figura 7..... | 38 |
| Figura 8..... | 39-40 |
| Tabla 2..... | 41 |
| Tabla 3..... | 42 |
| Figura 9..... | 43-45 |
| Figura 10..... | 47-48 |
| Figura 11..... | 50 |
| Tabla 4..... | 51 |
| Figura 12..... | 53 |
| Tabla 5..... | 54 |
| Figura 13..... | 55-56 |