
**ANÁLISIS DE BIOMARCADORES LIPÍDICOS PRESENTES EN HÍGADO DE
SALMÓN EN PRESENCIA DE AGENTES INFECCIOSOS:
COMPARACIÓN DE PERFILES MEDIANTE LA TÉCNICA DE MALDI-TOF-MS.**

**MONSERRAT VALDÉS CABELLO
LICENCIADO EN TECNOLOGÍA MÉDICA**

RESUMEN

El aumento en el consumo de los salmones por sus atributos y cualidades en la dieta ha generado la industria de la salmonicultura, para su desarrollo a gran escala. Con el tiempo se han producido problemas de los cuales la principal dificultad son las enfermedades, las más importantes destacan: piscirickettsiosis, Caligidosis y necrosis pancreática infecciosa, las cuales en la mayoría de los casos causan su muerte, lo cual genera pérdidas económicas a la industria Salmonera. Por ello analizar muestras de tejido de salmón mediante la técnica de MALDI-TOF-MS para comparar perfiles lipídicos de salmón del Atlántico (*Salmo salar*), incluyendo peces sanos y peces infectados con diferentes agentes patógenos, son necesarias para atenuar este problema. Las muestras fueron obtenidas a partir de un bioensayo controlado en el que peces fueron enfrentados a *P. salmonis*, *Caligus* e IPNV. Se utilizó un protocolo de extracción basado en la técnica de Folch con algunas modificaciones. El estudio de los biomarcadores lipídicos presentes en muestras de tejido de salmón se realizó mediante MALDI-TOF-MS. Se utilizó el software SPSS 15.0 para realizar un Análisis de componentes principales con objetivo de reducir el número de variables.

Se establecieron diferencias en el metabolismo lipídicos del salmón del Atlántico a nivel hepático cuando los peces padecen de enfermedades como la piscirickettsiosis, la necrosis pancreática infecciosa y la caligidosis. Las alteraciones en el metabolismo lipídicos de los peces parece ser inespecífica e independiente del tipo de agente patógeno. Desconoce, la identidad de cada uno de los lípidos involucrados, por lo que realizar algunos ensayos complementarios (ESI-MS, GC-MS, etc.) que permitan identificar de manera inequívoca cada uno de los lípidos encontrados en estos perfiles y establecerlos como posibles biomarcadores para salmones sanos y/o enfermos.